

Průběh obhajoby – A19B0371P PAUKNER Karel

Automatické rozdělení DNA do funkčních oblastí.

Pojmy.

Klasifikace do tří tříd - CDS, Promoter, Offgene.

Cíle práce.

Dataset - NCBI. data pro houby.

Úprava datasetu - Blast plus.

Model.

Výsledky.

Nástroj pro segmentaci DNA.

Na výstupu z transformeru se v práci nachází average pooling. Jaké jsou další možnosti, jak z transformerů přejít ke klasifikační vrstvě?

Jaké jsou další možnosti? Max pooling. Další možnosti?

V experimentálních výsledcích zmiňujete dvě metriky - accuracy, confusion matrix. Proč nejsou tyto metriky vzájemně konzistentní?

Jaká byla přesnost klasifikace ve vaší práci?

Jaký vliv může mít délka sekvence?

Proč se liší obrázek v prezentaci vs. v bakalářské práci?

Klasifikace – dobře

Datum obhajoby – 30.8.2023