

# Hodnocení vedoucího bakalářské práce

Autor práce: **Barbora SOUKUPOVÁ**

Název práce: **Analysis of Tools and Pipeline for Processing Long-Read Sequencing Data**

## **Jazyková a grafická úprava**

Nadprůměrné

## **Samostatnost zpracování tématu**

Nadprůměrné

## **Vhodnost použitých metod**

Nadprůměrné

## **Způsob zpracování a vyhodnocení**

Nadprůměrné

## **Správnost získaných výsledků**

Průměrné

## **Vlastní přínos**

Průměrné

## **Doplnění hodnocení, připomínky:**

Účelem této práce byla rešeršní činnost týkající se nástrojů a pipeline pro zacházení s daty získanými metodou sekvenování třetí generace se zaměřením na specifikaci jejich výhod a nevýhod, a to s ohledem na následnou využitelnost pro klinickou praxi a výzkum, především v oblasti hemato-onkologie, transplantologie a imunoterapie. Práce je až na drobné nedostatky (nejasnosti a nepřesnosti - např. chybějící citace Fig.4.1, kap.4.3.1 text vs Fig. 4.3, nejednotná měna při porovnávání cen, nedostatečná detailnost popisu nástrojů kap. 5.1.2) velmi pěkně zpracována a podává ucelený pohled na danou problematiku. Jako vedoucí musím vyzdvihnout, že studentka pracovala velmi samostatně a že v rámci řešení práce prostudovala a zpracovala velké množství zdrojů, jak biologických tak bioinformatických (120 zdrojů včetně dokumentací sekvenačních platforem a konkrétních analytických nástrojů), ve kterých se zorientovala a na základě nichž zpracovala kompletní přehled pro životní cyklus LRS dat od metod a přístupů získávání, přes data formáty a jednotlivé kroky a nástroje zpracování dat až po klinickou aplikovatelnost.

## **Dotazy**

1. V textu máte uvedeno, že FASTA formát reprezentuje nukleotidovou sekvenci ve dvou řádkách, kdy druhá řádka obsahuje pouze samotnou sekvenci. Je tomu skutečně tak?

## **Splnění bodů zadání**

úplně

## **Doporučení k obhajobě**

ANO

**Hodnocení: 1 - Výborně**

-----  
Ing. Lucie Houdová, Ph.D.

V ----- dne -----